

Datos personales

Sr.

D.N.I./I.P.F.: // Fecha Nacimiento :
Sexo:Hombre

Datos de envío

Compañía

Le informamos que, según la Ley Orgánica de Protección de Datos de Carácter personal (LEY 15/1999 de 13 de diciembre), sus datos personales, así como los resultados de los análisis clínicos, serán recogidos en un fichero automatizado que será utilizado, únicamente, para la realización de los servicios solicitados por Ud.

	Nº Análisis	Fecha toma de muestra	Fecha recepción	Fecha edición
---	-------------	-----------------------	-----------------	---------------

PRUEBA	RESULTADO	UNIDADES	VAL.DE REFERENCIA
--------	-----------	----------	-------------------

Genética Molecular

INFORME PARENTESCO

MUESTRAS

<u>Tipo</u>	<u>Nombre y apellidos</u>	<u>Parentesco</u>	<u>Población</u>
Hisopo	NIETO	A	Caucásica
Hisopo	ABUELO	B	Caucásica

DETERMINACIÓN SOLICITADA

STRs cromosoma Y

Parentesco:
Abuelo - Nieto

TÉCNICA

Análisis de STRs cromosoma Y mediante QF-Reacción en cadena de la Polimerasa (PCR)

A partir de ADN genómico obtenido de la muestra se procede a la amplificación por QF-PCR de marcadores STRs del cromosoma Y incluidos en AmpFlSTR Yfiler PCR Amplification Kit (Applied Biosystems). El material amplificado es separado por

	Nº Análisis	Fecha toma de muestra	Fecha recepción	Fecha edición
---	-------------	-----------------------	-----------------	---------------

PRUEBA RESULTADO UNIDADES VAL.DE REFERENCIA

electroforesis capilar con el sistema de análisis genético G3130 y analizado con el software GeneMapper ID v3.2 obteniendo el perfil genético.

La técnica empleada analiza 17 marcadores del cromosoma Y, cuya combinación forma el perfil genético que es único para cada individuo con una fiabilidad superior al 99,9%.

Se han analizado 17 STRs del cromosoma Y constituyendo el haplotipo para la determinación del linaje paterno. Todos los individuos varones emparentados por línea paterna comparten el cromosoma Y, y por tanto el mismo haplotipo, pues se hereda directamente de padres a hijos sin mezclarse con ningún material procedente de la madre.

El haplotipo obtenido de las personas participantes se compara entre sí.

Se considera la existencia de la relación de parentesco cuando todos los marcadores son compatibles entre las personas analizadas.

Si no coinciden los haplotipo, se excluye la relación de parentesco con una certeza del 100%.

Factores limitantes:

- Contaminación de ADN exógeno desde su recogida y durante el análisis.
- Degradación del ADN.
- Inhibición de la PCR.

RESULTADOS

STR	A	B	Compatibilidad
DYS456	15	15	SÍ
DYS389I	14	14	SÍ
DYS389II	31	31	SÍ
DYS390	24	24	SÍ
DYS458	17	17	SÍ
DYS19	14	14	SÍ
DYS385I	11	11	SÍ
DYS385II	14	14	SÍ
Y GATA H4	12	12	SÍ
DYS437	14	14	SÍ
DYS438	12	12	SÍ
DYS448	18	18	SÍ
DYS393	13	13	SÍ
DYS391	11	11	SÍ
DYS439	11	11	SÍ
DYS635	23	23	SÍ
DYS392	13	13	SÍ

CONCLUSIÓN

NO PUEDE SER EXCLUÍDA la relación de parentesco por vía paterna.

El perfil genético de las personas analizadas es idéntico entre sí.

	Nº Análisis	Fecha toma de muestra	Fecha recepción	Fecha edición
---	-------------	-----------------------	-----------------	---------------

PRUEBA

RESULTADO

UNIDADES

VAL.DE REFERENCIA

El solicitante tiene constancia de que la presente prueba no tiene valor legal sobre las relaciones de filiación preexistentes, ni sobre la atribución de la patria potestad o cualquier otra de las filiaciones derivadas de la paternidad/maternidad.

REFERENCIAS

- Y-STR Haplotype Reference Database (<http://www.yhrd.org>)
- Publication of population data of human polymorphisms, P. Lincoln, A. Carracedo, Forensic Sci. Int. 110 (2000) 3-5.

Responsable: Raul Santamaria

Nota Informativa

Para ganar comodidad y tiempo, recuerde que puede acceder a sus resultados a través de nuestra página web: www.echevarne.com. Además, en esta página, podrá consultar la evolución de sus analíticas desde Enero 2008 y podrá obtener un resumen gráfico del histórico de sus resultados.